



GENERALITAT  
VALENCIANA



BANCO DE  
PATENTES



PRINCIPE FELIPE  
CENTRO DE INVESTIGACION

## **TEAM: Una herramienta web para el diseño y gestión de paneles de genes para aplicaciones clínicas**

### **DESCRIPCIÓN DE LA TECNOLOGÍA**

TEAM (Targeted Enrichment Analysis and Management) es una herramienta web para el diseño y gestión de paneles de genes para aplicaciones clínicas

La secuenciación dirigida a enfermedades concretas está adquiriendo cada vez mayor importancia como aplicación de diagnóstico gracias a su potencia y coste-efectividad. Sin embargo, la falta de herramientas bioinformáticas adecuadas para procesar los datos limita su uso generalizado. TEAM es una herramienta sencilla e intuitiva que solventa esta necesidad y facilita la búsqueda de mutaciones dentro de un panel diagnóstico de genes, entre las variantes genéticas predichas para cada paciente.

TEAM permite a los usuarios definir sus

propios paneles de genes. Esta definición está basada en terminología de enfermedad obtenida de diferentes bases de datos (HGMD-public, HUMSAVAR, ClinVar and COSMIC).

Cada enfermedad tiene asociados sus correspondientes genes de enfermedad. De este modo, cuando se sube un archivo VCF al sistema, TEAM busca mutaciones conocidas que sean significativas para el diagnóstico y, en el caso de que las encuentra, genera un informe. En el caso contrario, si no encuentra mutaciones, facilita el acceso a herramientas para la priorización de otros genes no conocidos, facilitando el descubrimiento de nuevos hallazgos.

### **SECTORES DE APLICACIÓN EMPRESARIAL**

Empresas farmacéuticas y biotecnológicas que desarrollen nuevos métodos diagnósticos.

### **VENTAJAS TÉCNICAS Y BENEFICIOS EMPRESARIALES**

La falta de herramientas bioinformáticas adecuadas para procesar los datos genómicos limita el uso generalizado de la secuenciación masiva. TEAM es una herramienta sencilla e intuitiva que solventa esta necesidad y facilita la búsqueda de mutaciones dentro de un panel diagnóstico de genes.

### **ESTADO DE DESARROLLO DE LA TECNOLOGÍA**

Software desarrollado y disponible en <http://team.babelomics.org>

### **DERECHOS DE PROPIEDAD INDUSTRIAL E INTELECTUAL**

El código fuente de TEAM está disponible bajo la licencia Apache Version 2.0, January 2004.

### **COLABORACIÓN BUSCADA**



GENERALITAT  
VALENCIANA



BANCO DE  
PATENTES



PRINCIPE FELIPE  
CENTRO DE INVESTIGACION

## TEAM: Una herramienta web para el diseño y gestión de paneles de genes para aplicaciones clínicas

Colaboración con empresas farmacéuticas y biosanitarias y entidades de investigación interesadas en la utilización de la tecnología para el diseño de paneles de genes para aplicaciones clínicas.

### IMÁGENES RELACIONADAS

The screenshot shows the TEAM 1.0 web interface. It features a navigation menu on the left with options like 'Overview', 'Reports', and 'Secondary Findings'. The main area displays a table with columns for 'ID', 'Type', 'Status', 'Date', 'Gene Type', 'Status', 'Status', 'Status', and 'Status'. Below the table, there is a 'Minor Allele Frequency' pie chart showing the distribution of alleles across different categories.

Imagen 1: Interfaz de usuario de TEAM

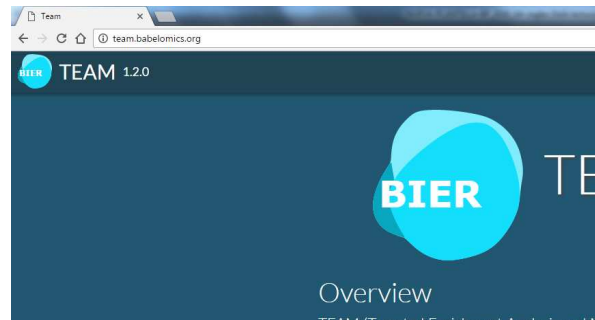


Imagen 2: Sitio web de TEAM

### DATOS DE CONTACTO

Oficina de Proyectos y Transferencia de Tecnología  
[otri@cipf.es](mailto:otri@cipf.es)

Centro de Investigación Príncipe Felipe  
Eduardo Primo Yufera, 3  
46012 - Valencia